DOI:10.13995/j. cnki.11 - 1802/ts.201610006

生物转化共轭亚麻酸植物乳杆菌的筛选及特性研究

杨芹,杨波,刘李至,陶瑞,陈永泉,陈卫,陈海琴*

(江南大学 食品科学与工程学院,江苏 无锡,214122)

摘 要 共轭亚麻酸(conjugated linolenic acid, CLNA)是一类具有抗癌、降脂减肥、抗炎等生理功能的活性物质, 为了得到高产或具有生物转化 CLNA 性能的生物合成体系,采用 GC-MS 分析方法检测了 31 株不同来源的植物 乳杆菌的脂肪酸组成,筛选得到8种可以高效转化亚麻酸至共轭亚麻酸的菌株。基于 GC-MS 分析结果,对其中 1 株高产共轭亚麻酸的植物乳杆菌 CCFM261 的转化特性进行了研究。结果表明,植物乳杆菌 CCFM261 对亚麻 酸的转化率高于 50%, 所得产物存在 3 种异构体(CLNA1, CLNA2, CLNA3), 大部分以游离脂肪酸的形式存在于 发酵液中,总含量可达到 0.186 0 mg/mL。菌体中也积累了一定量的结合状态的 CLNA。产物以 CLNA1 和 CLNA2 为主,比例约为2:1,占总共轭亚麻酸含量的90%以上。经质谱数据分析,确定 CLNA1 和 CLNA2 分别为 生物活性较高的 c9, t11, c15 - CLNA 和 t9, t11, c15-CLNA。

关键词 亚麻酸:共轭亚麻酸:GC-MS:植物乳杆菌:生物转化

共轭亚麻酸(conjugated linolenic acid, CLNA)是 亚麻酸(linolenic acid, LNA)衍生而来具有共轭双键 的十八碳三烯酸多种位置与构型异构体的总称,它具 有多种营养和保健功能,能够抗癌、抗糖尿病、抗动脉 粥样硬化、降低体脂含量、胰岛素抵抗、调节机体免疫 等,已成为医学、化学、营养学等领域的研究热 点[1-2]。在共轭亚麻酸的各种异构体中,c9,tl1, c15-CLNA (CLNA1), t9, t11, c15-CLNA (CLNA2), t10, c12, c15-CLNA 和 c6, c9, t11-CLNA 等是被认为 最具生物活性的异构体。

自然界的一些植物种子诸如石榴籽、油桐籽、苦 瓜籽、金盏花籽、栝楼和蓝花楹籽等均富含共轭亚麻 酸[3-4],但仅栝楼籽可直接食用,且由于植物种籽中 的油脂成分很复杂,实现共轭亚麻酸的分离与纯化十 分困难。目前可通过碱处理亚麻酸异构化而成,但产 率较低,以 6.6% 的氢氧化钾/乙二醇作催化剂时, CLNA 的产率仅为 17.0%,且有溶剂残留^[5-6]。目前 国外有一些学者报道微生物转化 CLNA 的能力, HENNESSY 等[7]和 GORISSEN 等[8]研究表明双歧杆 菌、乳杆菌、丙酸杆菌等多种菌株可生物转化合成共 轭亚麻酸,最高转化率可达 80%,其中 c9, t11, c15-CLNA,t9,t11,c15-CLNA 两种活性异构体在乳酸菌

第一作者:博士(陈海琴教授为通讯作者,E-mail:haiqinchen@ jiangnan. edu. cn) 。

基金项目:国家自然科学基金(31571810)

收稿日期:2016-03-29,改回日期:2016-04-22

转化的 CLNA 中所占比例达 90% 以上[9]。

乳酸菌转化所产的共轭亚麻酸,单体较唯一,转 化率高,且产物绝大多数都在发酵液,易于实现后期 的分离纯化,因此,生物法与化学法相比具有选择性 合成生物活性 CLNA 的优点, 更适合后期的综合 利用。

本研究通过对一系列不同来源的植物乳杆菌进 行 GC-MS 脂肪酸分析,筛选能够生物转化共轭亚麻 酸的菌株,并对高产共轭亚麻酸的菌株转化共轭亚麻 酸的特性进行初步探讨。

1 材料与方法

1.1 主要试剂与仪器

主要试剂:α-亚麻酸(LNA)购自 Sigma-Aldrich, 三甲基硅烷化重氮甲烷购自上海百灵威科技有限公 司,其他试剂均为普通分析纯或色谱纯,购自国药 集团。

主要仪器: GCMS-QP2010 Ultra SYSTEM 气质联 用仪,岛津;ND100-2 氮吹仪,四川汇巨仪器设备有限 公司;GRP-9080 隔水式恒温培养箱,上海森信实验仪 器有限公司;ST40R 型冷冻离心机,Thermo Scientific。

1.2 样品准备与取样

实验所使用的菌株来自江南大学食品生物技术 中心菌种库, MRS 培养基购自青岛海博生物技术有 限公司。

将植物乳杆菌划线于 MRS 固体培养基上.37 ℃ 培养 48 h, 挑单菌落接种于 MRS 液体培养基中, 37 ℃培养 48 h,连续转接活化 3 代。将活化好的菌液按照 1%接种量接种至含 LNA (30 mg/mL,含 2% Tween-20)的 10 mL MRS液体培养基中,37 ℃培养72 h。分别取其发酵液及菌体检测其脂肪酸组成,以筛选具有转化生成 LCNA 性能的菌株。

另以植物乳杆菌 CCFM261 为对象,在与上述相同条件下活化,添加不同浓度的 LNA (0.1,0.3,0.5,1.0 mg/mL)于 MRS 培养基,在 37 ℃下分别培养 0, 12,24,48,72 h,分析发酵液和菌体的脂肪酸,监测共轭亚麻酸在该菌生长历程中的最佳转化时间。

1.3 样品处理

将培养后的菌液转移至离心管,5000 r/min,离心5 min;取发酵液 1.5 mL 四份及对应 5 mL 发酵液的菌体 4 份用于脂肪酸的提取分析。菌体分别用 2 mL 盐溶液(0.137 mol/L NaCl; 7.0 mmol/L K_2 HPO₄; 2.5 mmoL/L KH_2 PO₄)洗涤,4000 r/min 离心 5 min; 重复 2 次。

1.3.1 游离脂肪酸提取及甲酯化处理

发酵液:取 2 份发酵液,加入 35 μ L 全氘代十八碳酸(d_{35} C18:0,2.058 mg/mL)作为内标,后添加 2 mL 异丙醇,充分振荡;再添加 3 mL 正己烷,充分振荡;5 000 r/min,离心 3 min,取正己烷层,用氮气吹干。

菌体:将菌体重悬于2 mL 盐溶液中,加入 d_{35} C18: 0作为内标,按上发酵液相同的方法进行脂肪酸提取及氮气吹干。

甲酯化: 将上述脂肪酸提取物用 400 μL 甲醇复溶,添加适量重氮甲烷进行甲酯化,氮气吹干后用 500 μL 正己烷溶解,13 000 r/min 离心 10 min 取上清,进行 GC/MS 分析。

1.3.2 总脂肪酸提取及甲酯化处理

取发酵液和菌体各 2 份,加入 d_{35} C18:0作为内标,冻干。残渣加入 1 mL 0.5 mol/L NaOH-MeOH 于 100 ℃加热 5 min,冷却后加入 1 mL 14% BF₃-MeOH 仍置于 100 ℃加热 5 min。冷却,加入 1 mL 饱和 NaCl 溶液,分别以 1 mL 正己烷萃取 2 次,氮气吹干后用 500 μ L 正己烷溶解,13 000 r/min 离心 10 min 取上清,进行 GC/MS 分析。

1.4 GC-MS 检测

岛津气相色谱仪(GC 2010 plus),气相柱 Rtx-Wax(30 m × 0.25 mm × 0.25 μ m),质谱仪(岛津 Ultra QP2010)。程序升温条件:初始150 ℃,以5 ℃/min 的速率升温至200 ℃,保持10 min,后以4 ℃/

min 升温至 240 $\,^{\circ}$ 、保持 10 min。采用分流进样,进样量为 1 $\,^{\circ}$ μL,分流比 10: 1,氦气为载气。进样器温度和检测器温度均为 240 $\,^{\circ}$ 。离子源 220 $\,^{\circ}$,强度为 70 $\,^{\circ}$ eV。

2 结果与讨论

2.1 植物乳杆菌转化共轭亚麻酸的情况

实验分析评估了 31 株植物乳杆菌转化共轭亚麻酸的能力,具体菌株信息见表 1。在确定底物 LNA 的添加量时,考虑到较高浓度的游离脂肪酸对细菌的生长具有一定的毒害或抑制作用,而且 COAKLEY 等人^[10] 也发现短双歧杆菌(B. breve) 对亚油酸的耐受量为 0.2 ~ 1.5 mg/mL,我们比较了目标菌株 CCFM261 在分别添加 0.1,0.3,0.5 和 1.0 mg/mL 亚麻酸的培养基中的生长状态以及底物的消耗量与产物的生成量的关系。结果表明,随着底物 LNA 浓度的升高,目标产物 CLNA 的含量呈上升趋势,但在底物添加量大于 0.3 mg/mL 时,产物的生成渐趋平缓且菌体对底物的利用率显著降低(图 1),综合考虑高浓度游离脂肪酸对菌体生长的影响,本实验中底物的添加量确定为 0.3 mg/mL。

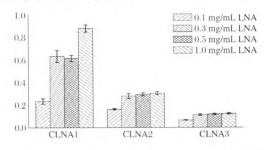


图 1 底物添加量对 CCFM261 生物转化 CLNA 能力的影响

Fig. 1 Effect of the substrate concentration on the fatty acid conversion of CCFM261

发酵液的脂肪酸 GC-MS 分析结果显示,植物乳杆菌 CCFM78、CCFM174、CCFM177、CCFM179、CCFM181、CCFM183、CCFM240、CCFM261 可将 10%以上的底物转化为共轭亚麻酸,可认为具有生物转化共轭亚麻酸的潜力,其中植物乳杆菌 CCFM78、CCFM240、CCFM261 可将超过 30%的亚麻酸转化为共轭亚麻酸,为高产菌株。但在 CCFM166、CCFM169、CCFM170、CCFM188、CCFM307 中未检测到任何 CLNA 的异构体,认定这几株菌不具备转化共轭亚麻酸的能力(表1)。

从菌株的来源上看,源自泡菜的植物乳杆菌普遍

具备转化共轭亚麻酸的潜力。而来源于酸粥的植物 乳杆菌转化共轭亚麻酸的能力较弱,这可能与这些菌 株的生活史中接触到底物的可能性有关联。

表 1 在含 LNA 的培养基中培养后发酵液的脂肪酸组成

Table 1 Fatty acid profile in the supernatant after cultured in media plus LNA

菌株	来源 -	LNA 浓度 0. 37 mg/mL						CLNA/
		CLNA1	含量%	CLNA2	含量%	CLNA3	含量%	%
CCFM78	婴儿粪便	0. 138 0 ± 0. 000 7	36. 70	0.025 3 ± 0.000 9	6. 73	0.005 0 ± 0.000 1	1. 32	44. 75
CCFM163	发酵乳	0.0032 ± 0.0002	0. 86	0.0026 ± 0.0001	0.69	0.0035 ± 0.0005	0. 94	2.49
CCFM164	酸粥	0.0166±0.0001	4. 41	0.0089 ± 0.0001	2. 38	0.0022 ± 0.0005	0. 59	7. 38
CCFM166	酸粥	N. D.	_	N. D.	_	N. D.	_	_
CCFM167	酸粥	0.0154 ± 0.0007	4. 10	0.0129 ± 0.0001	3.44	0.0051 ± 0.0004	1.36	8. 90
CCFM168	酸粥	0.0093 ± 0.0002	2.46	0.0029 ± 0.0003	0. 78	0.0017 ± 0.0003	0.45	3. 69
CCFM169	酸粥	N. D.		N. D.	_	N. D.	_	_
CCFM170	发酵乳	N. D.	_	N. D.	_	N. D.	_	_
CCFM172	酸菜	0.0086 ± 0.0002	2.30	N. D.		N. D.	_	2. 30
CCFM173	泡菜	0.0115 ± 0.0002	3.06	0.0074 ± 0.0001	2.00	0.0027 ± 0.0006	0.72	5.78
CCFM174	酸菜	$0.035\ 2\pm0.000\ 4$	9. 36	0.009 7 ± 0.001 0	2. 59	0.0034 ± 0.0001	0. 90	12. 85
CCFM175	酸菜	0.0123 ± 0.0004	3. 26	0.0109 ± 0.0003	2. 91	0.0027 ± 0.0001	0.71	6. 88
CCFM176	酸菜	0.0174 ± 0.0002	4. 64	0.009 7 ± 0.000 4	2. 59	$0.004\ 2\pm0.000\ 6$	1. 13	8. 36
CCFM177	酸菜	0.0275 ± 0.0012	7. 32	0.0087 ± 0.0009	2.31	0.0034 ± 0.0001	0.89	10. 52
CCFM178	酸菜	0.0195 ± 0.0005	5. 19	0.007 4 ± 0.000 1	1. 96	0.0028 ± 0.0002	0.76	7. 91
CCFM179	酸菜	0.0295 ± 0.0009	7. 84	0.0090 ± 0.0001	2. 39	0.0043 ± 0.0005	1. 15	11. 38
CCFM180	酸菜	0.0106 ± 0.0002	2. 81	0.002 8 ± 0.000 1	0.75	0.0022 ± 0.0004	0. 58	4. 14
CCFM181	酸菜	0.0264 ± 0.0017	7. 01	0.0083 ± 0.0001	2. 20	$0.004\ 0\pm0.000\ 2$	1.06	10. 27
CCFM182	酸菜	0.0220 ± 0.0002	5. 84	0.009 6 ± 0.000 1	2. 57	0.0043 ± 0.0001	1.14	9. 55
CCFM183	酸菜	0.0304 ± 0.0004	8. 09	0.0101 ± 0.0002	2. 69	0.0044 ± 0.0002	1. 16	11.94
CCFM187	酸菜	0.0187 ± 0.0005	4. 98	0.0046 ± 0.0002	1.22	0.0028 ± 0.0003	0. 76	6. 96
CCFM188	酸菜	N. D.	_	N. D.		N. D.	_	_
CCFM195	酸菜	0.0182 ± 0.0004	4. 84	0.007 5 ± 0.000 6	1. 99	0.0034 ± 0.0002	0.89	7. 72
CCFM201	发酵乳	0.0060 ± 0.0003	1.59	0.0026 ± 0.0002	0.70	N. D.	_	2. 29
CCFM225	西藏灵菇	0.009 6 ± 0.000 4	2. 56	0.004 1 ± 0.000 3	1.08	0.0018 ± 0.0001	0.48	4. 12
CCFM235	酸面团	0.0180 ±0.0016	4. 80	0.0147±0.0015	3.92	0.0050 ± 0.0005	1.33	10. 05
CCFM240	泡菜	0. 135 3 ± 0. 000 8	36. 60	0.045 9 ± 0.002 2	12. 40	0.007 1 ± 0.000 4	1.90	49. 90
CCFM261	泡菜	0. 142 4 ± 0. 000 6	38. 49	0.056 6 ± 0.004 1	15. 29	0.0075 ± 0.0005	2. 03	55. 81
CCFM307	奶疙瘩	N. D.		N. D.	_	N. D.	_	_
CCFM308	发酵乳	0.0147 ± 0.000 1	3. 92	0.0081 ± 0.0003	2. 15	0.0026 ± 0.0001	0.69	6. 76
CCFM309	发酵乳	0.009 6 ± 0.000 2	2. 57	0.004 3 ± 0.000 1	1.14	0.001 4 ± 0.000 2	0.37	4. 08

注:CCFM:江南大学食品生物技术中心菌种库;CLNA1:c9, t11, c15-CLNA;CLNA2:t9, t11, c15-CLNA;N.D.:未检出。

2.2 植物乳杆菌 CCFM261 转化共轭亚麻酸

所有的实验菌株中,植物乳杆菌 CCFM261 属于高产共轭亚麻酸的优良菌株,在本实验中被选作后续工作的研究对象,进一步探讨植物乳杆菌转化共轭亚麻酸菌株的一些相关共性问题。由图 2(a) 可知,植物乳杆菌 CCFM261 在含有 α -LNA 的 MRS 中生长时主要的代谢产物为 CLNA1, 2, 3。图 2(b)表明,植物乳杆菌 CCFM261 对 α -LNA 的代谢始于菌体培养12 h后,随着菌体生长共轭亚麻酸的含量逐渐增加(24 h、36 h),在48 h 左右达到最高值,此时 CLNA 的总含量约为 0. 186 0 mg/mL。植物乳杆菌 CCFM261转化 α -LNA 的主要产物是 CLNA1 和 CLNA2,二者约

占总 CLNA 的 90%,以前者为主,且二者在菌体生长 达稳态时的比例约为 2:1。

从图 2 (b) 我们还可以看出,植物乳杆菌 CCFM261 对 CLNA1, 2,3 三个异构体的积累也存在 先后秩序,分别是含量最高的 CLNA1 最先达到平衡, 其次是含量次之的 CLNA2 和 CLNA3。此外,图 2(b) 也表明在植物乳杆菌 CCFM261 培养 36 h后,CLNA 各异构体之间存在着转化,即 CLNA1 含量逐渐减少,而 CLNA2 和 CLNA3 的含量增加。

从培养 72 h 后植物乳杆菌 CCFM261 发酵液及菌体脂肪酸组成可以发现,菌株内仍有部分 LNA 尚未被转化,而所转化的 CLNA 绝大多数在发酵液,但

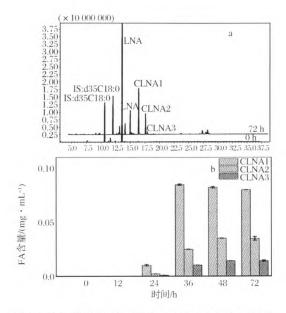


图 2 植物乳杆菌 CCFM261 在添加 LNA 的 MRS 中 生长 0 h 和 72 h 的色谱图 (a) 及发酵液中 CLNA 各异 构体随时间的变化(b)

Fig. 2 GCMS chromatograms CCFM261 in LNA spiked MRS at 0 h and 72h (a), and contents of CLNAs in CCFM261 ferment at different fermentation time (b)

菌体内仍留有少量的 CLNA 异构体,3 种异构体在发 酵液与菌体内的分布情况基本一致(图3)。为了推 断植物乳杆菌 CCFM261 生成的 CLNA 在菌体内的分 布情况以及存在形式,我们采用了两种脂肪酸甲酯化 方法同时分析发酵液及菌体的脂肪酸组成。采用皂 化-酸催化甲酯化的方法用 NaOH-MeOH 及 BF,-MeOH 对发酵液和菌体中的游离以及结合的脂肪酸 进行衍生(图3:FA in Pellets/Supernatant),然后取平 行样品采用只能对游离脂肪酸进行甲酯化的重氮甲 烷的方法分析菌体及发酵液中的游离脂肪酸(图3: FFA in Pellets/Supernatant)。结果表明,就整体而言, 发酵液中的 CLNA 含量最高,以游离的形式存在,该结 果与植物乳杆菌产共轭亚油酸类似,即绝大多数的产 物均不在胞内积累,而是被转运至胞外。其次,菌体中 也积累了一定量的 CLNA,主要以结合脂质的形式存 在。CLNA 在植物乳杆菌 CCFM261 体系中的这种分布 模式一方面符合常规情况下脂质在生物体内的存在状 态,另一方面也为最终的产物分离纯化工作提供了便 利,是采用生物技术制备共轭亚麻酸的又一优势。

从植物乳杆菌 CCFM261 培养液与菌体中的共轭 亚麻酸总量来看植物乳杆菌 CCFM261 的转化率为56%,为高产菌株。根据 GC-MS 所得碎片及共轭亚麻酸可能的异构体结构,与文献中^[9]进行比对可以确定,

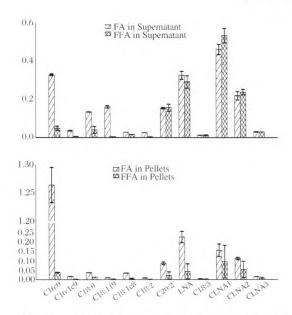


图 3 植物乳杆菌 CCFM261 发酵体系中各脂肪酸的分布: FA in Supernatant/Pellets:发酵液和菌体中结合形式和 游离形式的各脂肪酸含量;FFA in Supernatant/Pellets:

发酵液和菌体中游离形式的各脂肪酸含量 Fig. 3 Distribution of FAs in CCFM261; FA in Supernatant/ Pellets: content of both incorporated and free fatty acids in ferment or pellet; FFA in Supernatant/Pellets: content

of free fatty acids in ferment or pellet

本工作中的 CLNA1 即为 c9, t11, c15-CLNA, CLNA2 为 t9, t11, c15-CLNA, 但 CLNA3 中双键位置及顺反异构 等尚待确定。从植物乳杆菌 CCFM261 所转化的各异构体含量来看,主要产物是 c9, t11, c15-CLNA 和 t9, t11, c15-CLNA 两种异构体,其中以 c9, t11, c15-CLNA 为主体,约占总 CLNA 含量的 60%。从植物乳杆菌 CCFM261 的培养液与菌体的脂肪酸组成来看,所产生的共轭亚麻酸异构体绝大部分都在发酵液中。

3 结论

本研究从不同来源的 31 株植物乳杆菌中成功筛选到 8 株具有可生物转化 LNA 产 CLNA 能力的菌株,其中以植物乳杆菌 CCFM261 的性能为优。进一步研究发现 植物乳杆菌 CCFM261 对底物亚麻酸的转化率可达 56%,所产生的 CLNA 主要以游离的形式存在于发酵液中,极利于产物的后期分离与应用。植物乳杆菌 CCFA261 转化的 CLNA 主要为生物活性较高的 c9, t11, c15-CLNA,可达总 CLNA 量的 90% 以上。

鉴于上述结果,该植物乳杆菌 CCFA261 菌株可作为生产 CLNA 的生物合成系统,在采用生物技术手段

生产共轭亚麻酸领域具有较大的开发应用前景。同时,从 CLNA 及益生菌对人体健康的改善与调节功能出发,将某些益生菌的抗癌活性与它们转化共轭亚麻酸的能力相关联是非常具有研究价值和市场潜力的。

参考文献

- [1] KRIS-ETHERTON P M, HECKER K D, BINKOSKI A E. Polyunsaturated fatty acids and cardiovascular health [J]. Nutrition Reviews, 2004, 62(11): 414-426.
- [2] ROBINSON L E, BUCHHOLZ A C, MAZURAK V C. Inflammation, obesity, and fatty acid metabolism: influence of n-3 polyunsaturated fatty acids on factors contributing to metabolic syndrome[J]. Applied Physiology Nutrition and Metabolism-Physiologie Appliquee Nutrition Et Metabolisme, 2007, 32(6): 1 008-1 024.
- [3] KOHNO H, YASUI Y, SUZUKI R, et al. Dietary seed oil rich in conjugated linolenic acid from bitter melon inhibits azoxymethane-induced rat colon carcinogenesis through elevation of colonic PPAR gamma expression and alteration of lipid composition [J]. International Journal of Cancer, 2004, 110(6): 896-901.
- [4] YASUI Y, HOSOKAWA M, SAHARA T, et al. Bitter gourd seed fatty acid rich in 9c,11t,13t-conjugated linolenic acid induces apoptosis and up-regulates the GADD45, p53 and PPAR gamma in human colon cancer Caco-2 cells

- [J]. Prostaglandins Leukotrienes and Essential Fatty Acids, 2005, 73(2): 113-119.
- [5] IGARASHI M, MIYAZAWA T. Preparation and fractionation of conjugated trienes from alpha-linolenic acid and their growth-inhibitory effects on human tumor cells and fibroblasts[J]. Lipids, 2005, 40(1): 109-113.
- [6] IGARASHI M, MIYAZAWA T. Newly recognized cytotoxic effect of conjugated trienoic fatty acids on cultured human tumor cells [J]. Cancer Letters, 2000, 148(2): 173-179.
- [7] HENNESSY A A, ROSS R P, DEVERY R, et al. The Health Promoting Properties of the Conjugated Isomers of alpha-Linolenic Acid [J]. Lipids, 2011, 46 (2): 105 -119.
- [8] GORISSEN L, RAES K, WECKX S, et al. Production of conjugated linoleic acid and conjugated linolenic acid isomers by Bifidobacterium species [J]. Applied Microbiology and Biotechnology, 2010, 87(6): 2 257 - 2 266.
- [9] HENNESSY A A, BARRETT E, ROSS R P, et al. The production of conjugated alpha-linolenic, gamma-linolenic and stearidonic acids by strains of *Bifidobacteria* and *Propi-onibacteria* [J]. Lipids, 2012, 47(3): 313-327.
- [10] COAKLEY M, ROSS R P, NORDGREN M, et al. Conjugated linoleic acid biosynthesis by human-derived Bifidobacterium species [J]. Journal of Applied Microbiology, 2003, 94(1): 138-145.

The production of conjugated linolenic acid by Lactobacillus plantarum

YANG Qin, YANG Bo, LIU Li-zhi, TAO Rui, CHEN Yong-quan, CHEN Wei, CHEN Hai-qin*

(School of Food Science and Technology, Jiangnan University, Wuxi 214122, China)

ABSTRACT Conjugated linolenic acids (CLNAs) are a class of fatty acids that possess potential biological activity such as anti-carcinogensis, anti-adipogenesis, anti-inflammation and can be produced microbially by a series of bacteria. Gas chromatography mass spectrometry analyses were performed to acquire the fatty acid profiles of 31 strains of Lactobacillus plantarum and the data were used to assess their ability of CLNA accumulation during linolenic acid (LNA) spiked fermentation. 8 strains shown great probability of converting LNA to CLNA and CCFM261, a strain newly isolated from pickled vegetable, was found to be the best CLNA producer. Detailed investigation of the LNA-CLNA bio-converting property of CCFM261 unveiled that more than 50% of the LNA was converted to its conjugated isomers (CLNA1, CLNA2, CLNA3). The accumulation of CLNAs in CCFM261 started 12 h after the culturation and saturated at about 48 h with a final concentration of 0. 1860 mg/mL in ferment. 90% of the CLNA isomers were CLNA1 and CLNA2 which accumulated at a ratio of 2:1 and were identified as c9, t11, c15-CLNA and t9, t11, c15-CLNA by MS spectrum.

Key words linolenic acid; conjugated linolenic acid; GC-MS; Lactobacillus plantarum; conversion